

Certificat d'Analyse(s)

Informations personnelles masquées

Adresse masquée

Date de prélèvement : 08/09/2025

Date de réception : 15/09/2025

Nombre de prélèvements : 1

Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Espèce : CHAT

Race : RAG - Ragdoll

Date de naissance : 05/05/2025

Sexe : Mâle

Polykystose rénale (PKD)

Date d'exécution : 18/09/2025

Identification	Autres informations	Résultat
Code ADN masqué Nom : SAPPHIRE LALLI DOLL Puce : 901022000004337		NORMAL (+/+)

L N° d'identification masqué

Le gène PKD1 est recherché.

Cette mutation est responsable de la polykystose rénale (PKD) chez de nombreuses races de chats, incluant : Persans, Exotics, British shorthair et longhair, Burmillas, Scottish fold, Highland fold, Selkirk, Ragdoll, et races apparentées. Le laboratoire décline toute responsabilité quant à l'interprétation d'un résultat de cette analyse réalisée sur une autre race que celles listées ci-dessus.

Pour des raisons de pertinence, ne seront mentionnés sur les pedigrees que les résultats des pathologies répertoriées pour la race telles qu'elles ont été validées par le conseil scientifique du LOOF. Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante ; Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

Les tests génétiques mis en oeuvre conformément aux données acquises de la science identifient uniquement la mutation connue, d'autres anomalies génétiques impliquées dans l'expression de la maladie n'étant pas exclues.

NORMAL (+/+) : animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-) : animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-) : animal homozygote atteint

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 23/09/2025

Olivier Yvernogean

Technicien service Biologie Moléculaire



Certificat d'Analyse(s)

Informations personnelles masquées

Adresse masquée

Date de prélèvement : 08/09/2025

Nombre de prélèvements : 1

Espèce : CHAT

Date de naissance : 05/05/2025

Date de réception : 15/09/2025

Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Race : RAG - Ragdoll

Sexe : Mâle

Polykystose rénale (PKD)

Date d'exécution : 18/09/2025

Identification	Autres informations	Résultat
Code ADN masqué Nom : SAPHIRE LALLI DOLL Puce : 901022000004337		NORMAL (+/+)

L N° d'identification masqué

Le gène PKD1 est recherché.

Cette mutation est responsable de la polykystose rénale (PKD) chez de nombreuses races de chats, incluant : Persans, Exotics, British shorthair et longhair, Burmillas, Scottish fold, Highland fold, Selkirk, Ragdoll, et races apparentées. Le laboratoire décline toute responsabilité quant à l'interprétation d'un résultat de cette analyse réalisée sur une autre race que celles listées ci-dessus.

Pour des raisons de pertinence, ne seront mentionnés sur les pedigrees que les résultats des pathologies répertoriées pour la race telles qu'elles ont été validées par le conseil scientifique du LOOF. Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante ; Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

Les tests génétiques mis en oeuvre conformément aux données acquises de la science identifient uniquement la mutation connue, d'autres anomalies génétiques impliquées dans l'expression de la maladie n'étant pas exclues.

NORMAL (+/+) : animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-) : animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-) : animal homozygote atteint

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 23/09/2025

Olivier Yvernogean
Technicien service Biologie Moléculaire



Certificat d'Analyse(s)

Informations personnelles masquées

Adresse masquée

Date de prélèvement : 08/09/2025

Nombre de prélèvements : 1

Espèce : CHAT

Date de naissance : 05/05/2025

Date de réception : 15/09/2025

Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Race : RAG - Ragdoll

Sexe : Mâle

Polykystose rénale (PKD)

Date d'exécution : 18/09/2025

Identification	Autres informations	Résultat
Code ADN masqué Nom : SAPHIRE LALLI DOLL Puce : 901022000004337		NORMAL (+/+)

L N° d'identification masqué

Le gène PKD1 est recherché.

Cette mutation est responsable de la polykystose rénale (PKD) chez de nombreuses races de chats, incluant : Persans, Exotics, British shorthair et longhair, Burmillas, Scottish fold, Highland fold, Selkirk, Ragdoll, et races apparentées. Le laboratoire décline toute responsabilité quant à l'interprétation d'un résultat de cette analyse réalisée sur une autre race que celles listées ci-dessus.

Pour des raisons de pertinence, ne seront mentionnés sur les pedigrees que les résultats des pathologies répertoriées pour la race telles qu'elles ont été validées par le conseil scientifique du LOOF. Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante ; Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

Les tests génétiques mis en oeuvre conformément aux données acquises de la science identifient uniquement la mutation connue, d'autres anomalies génétiques impliquées dans l'expression de la maladie n'étant pas exclues.

NORMAL (+/+) : animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-) : animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-) : animal homozygote atteint

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 23/09/2025

Olivier Yvernogean

Technicien service Biologie Moléculaire



Certificat d'Analyse(s)

Informations personnelles masquées

Adresse masquée

Date de prélèvement : 08/09/2025

Date de réception : 15/09/2025

Nombre de prélèvements : 1

Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Espèce : CHAT

Race : RAG - Ragdoll

Date de naissance : 05/05/2025

Sexe : Mâle

Cardio-Myopathie Hypertrophique (HCM-RG)

Date d'exécution : 18/09/2025

Identification	Autres informations	Résultat
Code ADN masqué Nom : SAPHIRE LALLI DOLL Puce : 901022000004337		NORMAL (+/+)

L N° d'identification masqué

lyBPC3 est recherchée.

Cette mutation est responsable de la Myocardiopathie hypertrophique (HCM) chez les chats de race Ragdoll.

Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante ; Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

Les tests génétiques mis en oeuvre conformément aux données acquises de la science identifient uniquement la mutation connue, d'autres anomalies génétiques impliquées dans l'expression de la maladie n'étant pas exclues.

NORMAL (+/+) : animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-) : animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-) : animal homozygote atteint

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 23/09/2025

Olivier Yvernogean

Technicien service Biologie Moléculaire



Certificat d'Analyse(s)

Informations personnelles masquées

Adresse masquée

Date de prélèvement : 08/09/2025

Date de réception : 15/09/2025

Nombre de prélèvements : 1

Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Espèce : CHAT

Race : RAG - Ragdoll

Date de naissance : 05/05/2025

Sexe : Mâle

Cardio-Myopathie Hypertrophique (HCM-RG)

Date d'exécution : 18/09/2025

Identification	Autres informations	Résultat
Code ADN masqué Nom : SAPHIRE LALLI DOLL Puce : 901022000004337		NORMAL (+/+)

L N° d'identification masqué

lyBPC3 est recherchée.

Cette mutation est responsable de la Myocardiopathie hypertrophique (HCM) chez les chats de race Ragdoll.

Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante ; Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

Les tests génétiques mis en oeuvre conformément aux données acquises de la science identifient uniquement la mutation connue, d'autres anomalies génétiques impliquées dans l'expression de la maladie n'étant pas exclues.

NORMAL (+/+) : animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-) : animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-) : animal homozygote atteint

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 23/09/2025

Olivier Yvernogean

Technicien service Biologie Moléculaire



Certificat d'Analyse(s)

Informations personnelles masquées

Adresse masquée

Date de prélèvement : 08/09/2025

Date de réception : 15/09/2025

Nombre de prélèvements : 1

Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Espèce : CHAT

Race : RAG - Ragdoll

Date de naissance : 05/05/2025

Sexe : Mâle

Cardio-Myopathie Hypertrophique (HCM-RG)

Date d'exécution : 18/09/2025

Identification	Autres informations	Résultat
Code ADN masqué Nom : SAPHIRE LALLI DOLL Puce : 901022000004337		NORMAL (+/+)

L N° d'identification masqué

lyBPC3 est recherchée.

Cette mutation est responsable de la Myocardiopathie hypertrophique (HCM) chez les chats de race Ragdoll.

Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante ; Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

Les tests génétiques mis en oeuvre conformément aux données acquises de la science identifient uniquement la mutation connue, d'autres anomalies génétiques impliquées dans l'expression de la maladie n'étant pas exclues.

NORMAL (+/+) : animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-) : animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-) : animal homozygote atteint

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 23/09/2025

Olivier Yvernogean

Technicien service Biologie Moléculaire

